

بررسی بیان ژنهای P2RX7 و IL-18 در نمونه خون افراد مبتلا به بیماری گلومرولونفریت و مقایسه آن با افراد سالم



آیدا قدری^۱، فهیمه باغبانی آرانی^{۱*} و معصومه مهدوی اورتاکنند^۲

^۱ ایران، ورامین، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد ورامین- پیشوا، دانشکده علوم زیستی، گروه ژنتیک و بیوتکنولوژی

^۲ ایران، ورامین، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد ورامین- پیشوا، دانشکده علوم زیستی، گروه زیست‌شناسی

تاریخ پذیرش: ۹۷/۱۰/۲۵

تاریخ دریافت: ۹۷/۵/۱۵

چکیده

گلومرولونفریت یک بیماری التهابی کلیوی است که توسط پاسخهای ایمنی ایجاد می‌شوند. در بسیاری از بیماریهای التهابی اینفلامازومها نقش اساسی دارند. در واقع اینفلامازومها بخشی از سیستم ایمنی حاوی رسپتورها و سنسورها هستند که از طریق فعال کردن کاسپاز ۱ باعث القای التهاب می‌شوند. مسیر اینفلامازوم NPLR3 یکی از مسیرهای پاسخهای ایمنی می‌باشد که ژنهای P2RX7 و IL-18 به ترتیب نقش گیرنده غشایی و فاکتور التهابی را بر عهده‌دارند. هدف از این پژوهش بررسی میزان بیان دو ژن مذکور در خون بیماران مبتلا به گلومرولونفریت و مقایسه آن با افراد سالم بود. از این رو نمونه خون افراد در دو گروه که هر گروه شامل ۲۸ نفر بودند، جمع‌آوری و پس از تخلیص RNA و سنتز cDNA بیان دو ژن P2RX7 و IL-18 در اینفلامازوم با روش Real Time PCR مورد بررسی قرار گرفت. نتایج نشان دادند که بیان ژن P2RX7 در افراد مبتلا به بیماری به میزان ۰/۷ برابر نسبت به افراد شاهد کاهش یافته بود. در مقابل ژن IL-18 به میزان ۵ برابر نسبت به افراد شاهد افزایش یافته بود. این پژوهش مشخص کرد که ژن IL-18 نقش حیاتی در پاسخ التهابی این بیماری دارد ولی احتمالاً مسیر سیگنالینگ این بیماری در مسیری جدا از P2RX7 می‌باشد.

واژه‌های کلیدی: گلومرولونفریت، ژن P2RX7، ژن IL-18 و اینفلامازوم

* نویسنده مسئول، تلفن: ۰۲۱-۳۶۷۲۵۰۱۱، پست الکترونیکی: fbaghbani@iauvaramin.ac.ir

مقدمه

التهابی، مرتبط باشد. اینفلامازومها گیرنده‌های داخل سلولی (سیتوزولی) هستند که توانایی شناسایی پاتوژنهای میکروبی و سیگنالهای خطرناک درون‌زاد حاصل از استرس یا آسیب سلولی را دارند. کمپلکس اینفلامازوم بعد از تشکیل باعث فعال شدن پروتئازی به نام کاسپاز یک می‌شود و آن نیز باعث فعال کردن فاکتورهای پیش التهابی مانند اینترلوکین یک و ۱۸ خواهد شد. بنابراین فعالیت اینفلامازوم باعث فراخوانی سلولهای ایمنی مانند ماکروفاژها به بافت موردنظر شده که می‌تواند پاسخهای التهابی زیادی را وساطت نماید (۲ و ۱۵).

گلومرولونفریت یک بیماری کلیوی است که بر اثر التهاب شبکه‌های مویرگی موجود در کلیه‌ها به نام گلومرولها به وجود می‌آید. در حال حاضر سرکوب غیراختصاصی سیستم ایمنی بدن یکی از راهکارهای درمانی این بیماری به شمار می‌رود که اثرات جانبی فراوانی دارد. در برخی موارد آنتی‌بادیها یا پادتنهایی که برای ایمنی بدن در مقابل عوامل خارجی مانند برخی از عفونتها و یا آسیبهای بافتی تولید می‌شوند موجب التهاب گلومرولها می‌گردند (۶). از آنجائی که بیماری گلومرولونفریت یک بیماری التهابی می‌باشد، می‌تواند با مسیرهای مولکولی در بیماریهای

داخل سلولی می‌گردد. کاهش غلظت پتاسیم داخل سلولی باعث فعال شدن کمپلکس اینفلامازوم و به دنبال آن کاسپاز یک می‌شود که این پروتئاز باعث تبدیل $\text{pro-IL-1}\beta$ و pro-IL-18 به $\text{IL-1}\beta$ و IL-18 فعال می‌شود. اینترلوکین‌های $\text{IL-1}\beta$ و IL-18 توسط سلولها به خارج سلول ترشح شده و می‌تواند پاسخ التهابی را ایجاد کنند (۴، ۷ و ۱۶).

اینترلوکین ۱۸ به عنوان فاکتور القاکننده اینترفرون گاما شناخته می‌شود. این پروتئین متعلق به سوپر خانواده اینترلوکین یک می‌باشد. اینترلوکین ۱۸ در فرم بیولوژیکی به صورت یک پیش ساز غیرفعال ساخته شده و بعد از اینکه به وسیله کاسپاز ۱ یا دیگر کاسپازها شکسته شد به فرم فعال تبدیل می‌شود. به‌طورکلی اینترلوکین ۱۸ می‌تواند بر روی سلولهای T کمکی نوع یک، سلولهای کشنده طبیعی، سلولهای B و سلولهای دندریتیک اثر کرده و این سلولها را در حضور اینترلوکین ۱۲ وادار به تولید اینترفرون گاما نماید. از آنجایی که اینترلوکین ۱۸ می‌تواند پاسخهای التهابی شدیدی را ایجاد کند، نقش مهمی در بی‌نظمیهای التهابی بر عهده دارد (۹).

از آنجایی که گلوومرولونفریت یک بیماری التهابی است، می‌تواند با برخی از عواملی که موجب بروز پاسخهای التهابی می‌شوند در ارتباط باشد. از این رو درک بهتر مکانیسمهای مولکولی درگیر در مسیر بروز پاسخهای التهابی، می‌تواند افقهای جدیدی در درمان این بیماریها داشته باشد. لذا در این پژوهش فرض بر این شد که در یک مسیر سیگنالینگ پاسخ التهابی، شناسایی عوامل موجود در ابتدا (گیرنده‌های سلولی) و انتهای مسیر (عوامل بروز پاسخ التهابی) و بررسی بیان ژنهای مرتبط با این عوامل می‌تواند مکانیسم بروز پاسخهای التهابی را آشکار سازد. هدف از این پژوهش بررسی بیان ژن P2RX7 (که یک گیرنده می‌باشد) و IL-18 (که یک اینترلوکین است و موجب پاسخ التهابی می‌شود) در بیماران مبتلا به بیماری کلیوی گلوومورنفریت و مقایسه آن با افراد سالم بود.

NLRP3 یک اینفلامازوم است که در بسیاری از بیماریهای عفونی فعال و موجب پاسخهای التهابی می‌شود. بیش تنظیمی اینفلامازوم NLRP3 و پرواینترلوکین-۱ (بتا $\text{IL-1}\beta$) به وسیله عوامل نسخه‌برداری NF-kB در طی پاسخ به سیتوکینهای خارجی و همچنین عوامل میکروبی مشاهده شده است. از طرف دیگر عواملی همچون برخی از محرکها مانند ATP و RNA ویروسی، اینفلامازوم NLRP3 را فعال می‌کنند. بسیاری از محرکهای فعال‌سازی NLRP3 موجب خروج یونهای پتاسیم از سلول می‌شوند که برای فعال‌سازی NLRP3 ضروری می‌باشد. همه این عوامل موجب تبدیل پرو اینترلوکینهای ۱-بتا و ۱۸ به اینترلوکینهای ۱-بتا و ۱۸ می‌شوند که متعاقباً موجب پاسخهای التهابی در بدن بیمار خواهند شد (۱۳).

P2X7 یک گیرنده غشایی می‌باشد که در سلولهای ایمنی به فراوانی وجود دارد. وقتی لیگاند به P2X7 متصل می‌شود این گیرنده باعث راه‌اندازی چندین آشار سیگنالی پایین دست خواهد شد که این سیگنالهای داخل سلولی می‌تواند باعث تشکیل گونه‌های فعال اکسیژن (ROS)، فعال‌سازی پروتئازها و آنزیمها، آزاد کردن پروتئوگلدانینها، انتشار گلوتامات به خارج سلول، فعال کردن بسیاری از فاکتورهای رونویسی، تکثیر سلول، فاگوسیتوز و غیره شود (۵). با توجه به عملکردهای مختلف، P2X7 نقش مهمی در شرایط بیماری و سلامت بر عهده دارد. تاکنون نقش این ژن در بیماریهای مختلفی مانند آلزایمر، هانتینگتون، ایسکمی، التهاب، گلوومرولونفریتها و سرطان گزارش شده است (۴). یکی از مهم‌ترین عملکردهای P2X7 ، نقش آن در تنظیم ترشح $\text{IL-1}\beta$ و IL-18 می‌باشد که این عمل را با فعال کردن کمپلکس اینفلامازومی NLRP3 انجام می‌دهد. فعال شدن گیرنده P2X7 با ATP خارج سلولی (که بر اثر عواملی مختلفی مانند بیماری‌زایی ایجاد می‌شود) باعث باز شدن کانال یونی پانکسین ۱ می‌شود که منجر به ورود Ca^{2+} و Na^{+} به داخل سلول و خروج K^{+} از سلول می‌گردد. این تغییرات منجر به فعال شدن چندین مسیر

مواد و روشها

جامعه آماری: جمعیت مورد مطالعه در این تحقیق ۵۶ نفر، شامل ۲۸ نفر بیمار مبتلا به گلوومرولونفریت و ۲۸ نفر افراد نرمال (عدم ابتلا به گلوومرولونفریت) بودند. برای نمونه‌گیری ابتدا اطلاعات پرسشنامه‌ای بیماران مورد نظر بررسی و جهت مطالعات بعدی رضایت‌نامه کتبی از آنها گرفته شد. بعد از جمع‌آوری نمونه‌ها، متخصص اورولوژی صحت آنها را تأیید کرد. اطلاعات مربوط به C-reactive protein (CRP) که بیانگر التهاب می‌باشد از پرونده بیماران استخراج گردید.

نمونه‌گیری: در ابتدا از افراد مورد مطالعه ۵ میلی‌لیتر خون محیطی گرفته شد. نمونه‌های جمع‌آوری شده بلافاصله برای آنالیز به آزمایشگاه منتقل شدند. به منظور استخراج PBMC ابتدا بر روی دو میلی‌لیتر خون مقدار دو میلی‌لیتر PBS اضافه و بخوبی مخلوط گردید. سپس به هر نمونه سه میلی‌لیتر فایکول افزوده و به مدت ۲۵ دقیقه با دور ۲۳۰۰ سانتریفیوژ شد. نمونه حاضر بعد از سانتریفیوژ به ترتیب از پایین به بالا شامل خون، فایکول، PBMC و پلاسما می‌باشد (۱۱)

استخراج RNA و سنتز cDNA: استخراج RNA از سلولهای خونی با استفاده از ترایزول و طبق پروتکل استاندارد صورت پذیرفت (۱۰). برای بررسی کمیت و کیفیت RNA استخراج‌شده، میزان جذب نوری آن با استفاده از دستگاه نانودراپ (کیازن) در دو طول موج ۲۶۰ و ۲۸۰ نانومتر سنجش و نسبت جذب نوری در ۲۶۰ به ۲۸۰ نانومتر محاسبه گردید. همچنین برای بررسی کیفیت RNA استخراج‌شده، مقدار ۳ میکرولیتر از نمونه‌ها در ژل آگارز ۱ درصد با ولتاژ ۱۰۰ ولت الکتروفورز گردید. وجود باندهای ۱۸S و ۲۸S مربوط به RNA ریبوزومی به ترتیب در موقعیتهای ۸۰۰ و ۱۵۰۰ نشان‌دهنده کیفیت خوب RNA استخراج‌شده بود.

به منظور سنتز cDNA، ابتدا RNA استخراج‌شده با آنزیم DNase I (محصول شرکت فرمنتاز) تیمار و سپس حجم نهایی به ۱۰ میکرولیتر رسانده و به مدت ۳۰ دقیقه در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد انکوبه شد. جهت سنتز cDNA از کیت PrimScript RT reagent شرکت تاکارا استفاده شد. مقدار دو میکرولیتر بافر PrimeScript™ ۵X، ۰/۵ میکرولیتر آنزیم PrimeScript™ RT، ۰/۵ میکرولیتر پرایمر الیگو dT و ۰/۵ نانوگرم RNA باهم مخلوط و حجم نهایی با آب عاری از RNase به ۱۰ میکرولیتر رسانده شد. جهت شروع نسخه‌برداری معکوس، نمونه به مدت ۱۵ دقیقه در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد نگهداری و سپس با استفاده از تیمار حرارتی (۸۵ درجه سانتی‌گراد به مدت ۵ ثانیه) آنزیم نسخه‌برداری معکوس غیرفعال گردید. نمونه‌ها تا زمان انجام PCR در دمای ۲۰- درجه سانتی‌گراد نگهداری شدند.

واکنش Real-Time PCR: برای طراحی پرایمرهای اختصاصی موردنظر، ابتدا توالی ژنهای P2RX7 و IL-18 (Interleukin 18) از سایت NCBI به دست آمد و سپس با استفاده از نرم‌افزار ABI طراحی پرایمر انجام گردید (جدول ۲). به منظور بررسی اختصاصی بودن پرایمرهای طراحی‌شده، پرایمرهای با نرم‌افزار Primer BLAST در سایت NCBI مورد بررسی قرار گرفتند.

برای انجام واکنش RT-PCR ابتدا برنامه زمانی واکنش طراحی و سپس دستگاه ترموسایکلر (ABI 7500, USA) مطابق برنامه تنظیم گردید. اجزای واکنش تکثیر در حجم نهایی ۱/۵ میکرولیتر شامل ۷/۵ میکرولیتر سایبرگرین، ۱ میکرولیتر (۱۰ پیکو مول) آغازگرهای واکنش، ۳ میکرولیتر (۱۰ نانو گرم) از cDNA های سنتز شده و ۳/۵ میکرولیتر آب مقطر بوده است. برنامه حرارتی تکثیر ژنهای ZEB1 و GAPDH به شرح مقابل است: ۱ چرخه در دمای ۹۵ درجه سانتی‌گراد به مدت ۳۰ ثانیه برای واسرشته سازی اولیه، ۴۰ چرخه در دمای ۹۵ درجه به مدت ۱۵ ثانیه برای اتصال

پرایمرها و ۴۰ چرخه در دمای ۶۰ درجه سانتی‌گراد برای تکثیر.

جدول ۲- توالی پرایمر ژنهای *GAPDH* و *IL-18*، *P2X7*

نام ژن	توالی	اندازه قطعه تکثیر در PCR
<i>P2X7</i>	F: GCATCACCACCTCAGAGCTGT R: ACTGCCCTTCACTCTTCGGAA	246 bp
<i>IL-18</i>	F: TGACCAAGTTCTTTCATTGACCA R: CTCACACTTCACAGAGATAGTTACAGCC	60 bp
<i>GAPDH</i>	F: CCCACTCCTCCACCTTTGAC R: CATACCAGGAAATGAGCTTGACAA	74 bp

گردیدند. از نظر جنسیتی، افراد گروه شاهد شامل ۱۸ نفر زن و ۱۰ نفر مرد و افراد گروه مبتلا به بیماری شامل ۱۴ نفر زن و ۱۴ نفر مرد بودند. مشخصات شاخص CRP هر دو گروه در جدول ۱ ارایه شده است.

جدول ۱- پراکنده‌گی میزان CRP و سن در نمونه‌های مورد مطالعه

پارامتر	کنترل	بیمار
CRP	۴/۴۶±۱/۴۲	۱۱/۲۸۵±۲/۷۱
سن	۳۹/۴۶±۱۰/۳۱	۳۹/۵۷±۱۳/۵۳

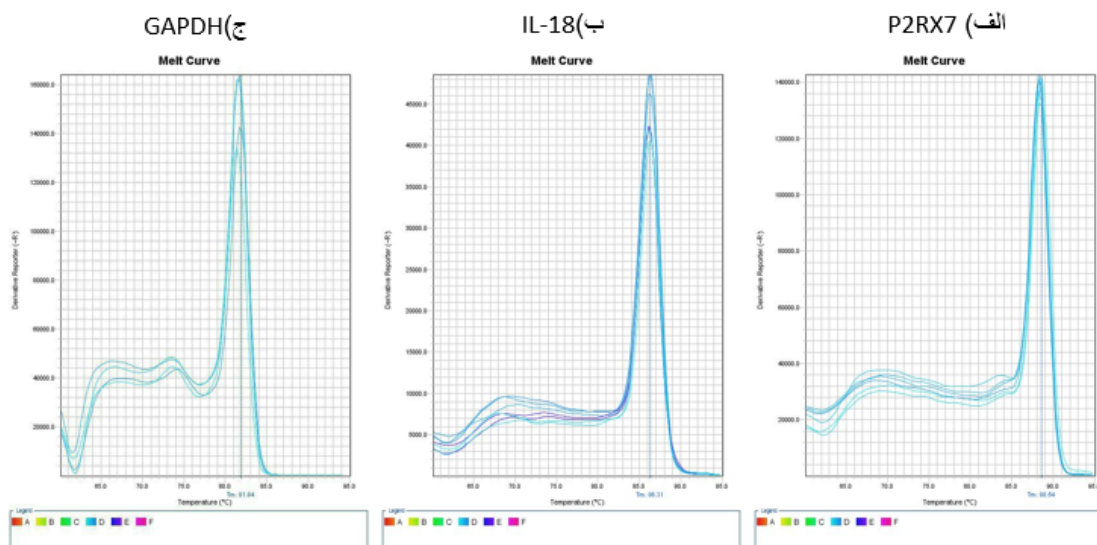
آنالیز منحنی ذوب در واکنش **Real Time PCR**: نمودار آنالیز ذوب برای هر یک از ژنها نشان داد که برای هر ژن تنها یک پیک وجود دارد (شکل ۱). وجود یک پیک برای هر ژن در نقطه ذوب، نشان‌دهنده عدم آلودگی، وجود محصول غیراختصاصی و دایمر پرایمر می‌باشد.

برای تأیید نهایی محصولات RT-PCR از آنالیز منحنی ذوب استفاده گردید. همچنین برای بررسی نتایج بیان این ژنها بین گروه بیمار و کنترل از نرم‌افزار REST بر مبنای فرمول $2^{-\Delta\Delta C_t}$ استفاده شد.

تمام آنالیزهای آماری این پروژه با استفاده از نرم‌افزار Microsoft Excel 2010 و SPSS ver.22 انجام شد. به منظور آنالیز نتایج به دست آمده، از تستهای ANOVA و T-test استفاده شد. در تمامی موارد، مقدار p کمتر از ۰/۰۵ به عنوان اختلاف معنی‌دار در نظر گرفته شد.

نتایج

مشخصات نمونه‌ها: در این مطالعه ۵۶ نفر در دو گروه کنترل سالم (۲۸ نفر) و افراد بیمار (۲۸ نفر) بررسی



شکل ۱- منحنی ذوب در واکنش Real Time PCR برای هر یک از ژنها: الف) *P2RX7* ب) *IL-18* و ج) *GAPDH*

بحث

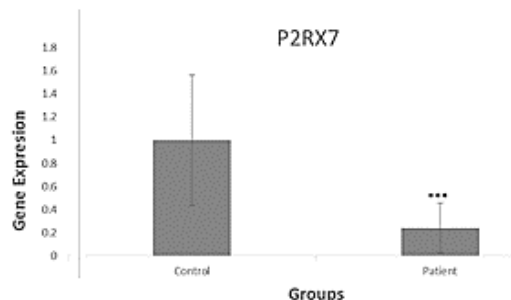
گلوومرولونفریت، التهاب گلوومرولها در کلیه‌ها می‌باشد که کار اصلی این گلوومرولها انتقال مایعات اضافی، الکترولیتها و مواد زائد از جریان خون به ادرار است. این بیماری ممکن است حاد باشد و به صورت حمله التهابی بروز کند. التهاب شدید و طولانی‌مدت در ارتباط با گلوومرولونفریت باعث آسیب به کلیه‌ها می‌شود. چند سال اخیر مطالعات بسیار زیادی بر روی بیماریهای التهابی جهت تعیین مکانیسم آن انجام‌یافته است. یکی از مسیرهای مولکولی که در التهاب مورد توجه قرار گرفته است کمپلکس اینفلامازوم می‌باشد. مشخص شده است که اغلب بیماریهای التهابی با کمپلکس اینفلامازوم در ارتباط هستند؛ بنابراین احتمال وجود نقش این کمپلکس در التهابهای بیماران گلوومرولونفریت وجود دارد (۳).

از آنجایی که بیماری گلوومرولونفریت نیز یک بیماری التهابی می‌باشد و نقش گیرنده P2X7 و ارتباط آن با اینفلامازومها و فاکتورهای التهابی در ایجاد بیماریهای التهابی شناخته‌شده است، چنین فرض شده بود که این دو ژن احتمالاً در بیماری گلوومرولونفریت و ایجاد پاسخهای التهابی در طی این بیماری نقش به‌سزایی دارند.

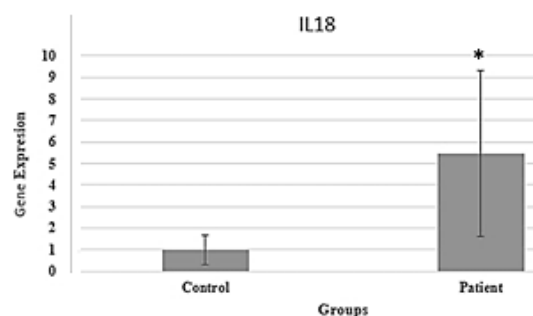
نتایج آزمایشها بیان ژن در دو گروه بیمار و افراد سالم نشان داد که بیان ژن P2X7 در بیماران مبتلا به گلوومرولونفریت نه تنها افزایش نیافته، بلکه به شدت کاهش یافته بود. نتایج حاضر مشخص نمود که احتمالاً گیرنده‌های غشایی دیگری در طی بیماری گلوومرولونفریت نقش دارند و مسیر دیگری مستقل از P2X7 برای راه‌اندازی پاسخهای التهابی در این بیماری وجود دارد. با این حال مشخص گردید که مسیر پاسخ التهابی در این بیماری به فاکتور ایتروکین ۱۸ منتهی می‌شود و نقش این فاکتور در ایجاد پاسخ التهابی در بیماری گلوومرولونفریت به وضوح مشخص گردید. بهر حال برخی از نتایج مربوط به پژوهشهای دیگر با نتایج این تحقیق همسو نبودند. در مطالعه‌ای مشخص شده است که

بیان ژنهای P2RX7 و IL-18 : بیان ژنهای هدف برای همه نمونه‌های مورد آزمایش مثبت بود. به عبارتی همه نمونه‌ها بیان ژنهای P2RX7، IL-18 و GAPDH را نشان دادند. ژن GAPDH به عنوان نمونه مناسبی از کنترل داخلی استفاده شده بود که بر اساس بیان این ژن، بیان نسبی ژنهای هدف با استفاده از رابطه $\Delta\Delta Ct$ محاسبه گردید.

نتایج مربوط به بیان ژنهای P2RX7 و IL-18 نشان داد که ژن P2RX7 در بیماران مبتلا به گلوومرولونفریت به صورت معنی‌دار ($p \leq 0.05$) و به اندازه ۷۰ درصد نسبت به افراد سالم (شاهد) کاهش یافته بود (شکل ۲). در مقابل ژن IL-18 در افراد مبتلا به بیماری گلوومرولونفریت به اندازه ۵ برابر نسبت به افراد سالم افزایش یافته بود ($p \leq 0.05$) (شکل ۳).



شکل ۲- بیان ژن P2RX7 در دو گروه بیماران به گلوومرولونفریت و افراد سالم



شکل ۳- بیان ژن IL-18 در دو گروه بیماران به گلوومرولونفریت و افراد سالم

می‌شود (۱). نقش IL-18 در التهاب گلومرونفریت ثابت شده است به طوری که افزایش بیان ژن IL-18 موجب پیشرفت بیماری و آسیب بیشتر به کلیه‌ها می‌گردد (۱۴).

نتایج پژوهش حاضر مشخص کرد که اگرچه ژن IL-18 در بیماران مبتلا به گلومرونفریت در مقایسه با افراد شاهد به شدت بیان می‌شود ولی شاید نتواند به عنوان مشخصه فعالیت اینفلامازوم باشد. با این حال استفاده فاکتورهای بازدارنده IL-18 می‌تواند در کاهش اثرات آن بر بیماریهای التهابی بسیار مفید باشد. در همین راستا، تحقیقات بیشتر می‌تواند مسیرهای سیگنالینگ و همچنین گیرنده‌های اختصاصی این بیماری را مشخص نماید.

نتیجه‌گیری

نتایج پژوهش حاضر مشخص کرد که فاکتور IL-18 نقش مهمی در بیماری گلومرونفریت دارد زیرا در بیماران مبتلا به این بیماری در مقایسه با افراد شاهد به شدت بیان شده بود. در مقابل ژن P2RX7 نه تنها در این بیماران بیش بیانی نداشت بلکه روند کاهشی نشان داد که نشان‌دهنده این بود که این ژن دخیل در سیگنالینگ اینفلامازوم در این بیماری نقش ندارد. البته درک بهتر نقش این ژن در این بیماری نیازمند مطالعه بیشتر می‌باشد.

در موشهای مبتلا به گلومرونفریت mRNAهای مربوط به ژن P2X7 نسبت به افراد شاهد افزایش یافته بود (۱). یکی از دلایلی که می‌تواند عدم تطابق نتایج این تحقیق را با پژوهش ذکر شده توجیه کند، احتمالاً مدل حیوانی متفاوت در دو مطالعه می‌باشد. همچنین برخی از تحقیقات پیشین نشان داده‌اند که در بیماریهای التهابی بیان ژن IL-18 افزایش یافته است. اکثر این پژوهشها تأیید کننده نتایج پژوهش حاضر می‌باشند (در مورد ژن IL-18). به عنوان مثال، در پژوهشی نقش فعالیت کمپلکس اینفلامازوم NLRP3 در سلولهای تک‌هسته‌ای محیطی بیماران همودیالیزی کلیوی، مشخص شده است که بیان ژن اینترلوکین ۱۸ در افراد بیمار نسبت به افراد شاهد افزایش یافته است. نتایج این پژوهش مشخص کرده است که اینترلوکین ۱۸ نقش به سزایی در التهاب شدید بیماران کلیوی دارد (۸). نقش اینترلوکین ۱۸ در ایجاد بیماری کلیوی در موشها نیز مورد بررسی قرار گرفته و مشخص شده است که در جهش‌یافته‌هایی که فاقد ژن IL-18 بودند، کلیه‌ها عملکرد بهتری نسبت افراد شاهد از خود نشان می‌دهند (۱۲). همچنین افزایش بیان ژن IL-18 به همراه یک ژن دیگر موجب القای تکثیر و نفوذ سلولهای التهابی و پیشرفت بیماری و متعاقباً آسیب به کلیه‌ها

منابع

- 1- Bartlett R, Stokes L, Sluyter R. 2014. The P2X7 Receptor Channel: Recent Developments and the Use of P2X7 Antagonists in Models of Disease. *Pharmacol Rev* 66(3):638–75.
- 2- Cassel SL, Sutterwala FS. 2010. Sterile inflammatory responses mediated by the NLRP3 inflammasome. *40, European Journal of Immunology* 40; 607–11.
- 3- Garcia GE, Xia Y, Ku G, Johnson RJ, Wilson CB, Feng L. 2003. IL-18 translational inhibition restricts IFN- γ expression in crescentic glomerulonephritis. *Kidney Int* 64(1):160–9.
- 4- Granata S, Masola V, Zoratti E, Scupoli MT, Baruzzi A, Messa M, et al. 2015. NLRP3 inflammasome activation in dialyzed chronic kidney disease patients. *PLoS One* 10(3): e0122272.
- 5- He Y, Franchi L, Nunez G. 2013. TLR Agonists Stimulate Nlrp3-Dependent IL-1 Production Independently of the Purinergic P2X7 Receptor in Dendritic Cells and In Vivo. *J Immunol* 190(1):334–9.
- 6- He Y, Hara H, Núñez G. 2016. Mechanism and regulation of NLRP3 inflammasome activation. *Trens Biochem Sci* 41(12): 1012-1021.
- 7- Kitching AR. 2005. IL-12p40 and IL-18 in Crescentic Glomerulonephritis: IL-12p40 is the Key Th1-Defining Cytokine Chain, Whereas IL-18 Promotes Local Inflammation and Leukocyte Recruitment. *J Am Soc Nephrol* 16(7):2023–33.
- 8- Miller CM, Boulter NR, Fuller SJ, Zakrzewski AM, Lees MP, Saunders BM, et al. 2011. The role of the P2X7 receptor in infectious diseases. *PLoS Pathog* 7(11):e1002212.

- 9- Okamura H, Tsutsui H, Kashiwamura S-I, Yoshimoto T, Nakanishi K. 1998. Interleukin-18: A Novel Cytokine That Augments Both Innate and Acquired Immunity. In: *Advances in Immunology*. Academic Press 281–312.
- 10- Peirson SN, Butler JN. 2007. RNA Extraction from Mammalian Tissues. In: *Methods in molecular biology* 315–27.
- 11- Puren AJ, Fantuzzi G, Dinarello CA. 1999. Gene expression, synthesis, and secretion of interleukin 18 and interleukin 1 are differentially regulated in human blood mononuclear cells and mouse spleen cells. *Proc Natl Acad Sci*. 96(5):2256–61.
- 12- Schroder K, Tschopp J. 2010. The Inflammasomes. *Cell*. Cell Press 140; 821–32.
- 13- Schwarz N, Drouot L, Nicke A, Fliegert R, Boyer O, Guse AH, et al. 2012. Alternative splicing of the N-terminal cytosolic and transmembrane domains of P2X7 controls gating of the ion channel by ADP-ribosylation. Zhang Z, editor. *PLoS One* 7(7): e41269.
- 14- Strowig T, Flavell RA. 2012. Inflammasomes in inflammatory bowel disease. In: *Crohn's Disease and Ulcerative Colitis: From Epidemiology and Immunobiology to a Rational Diagnostic and Therapeutic Approach* 111–8.
- 15- Turner CM, Tam FWK, Lai P-C, Tarzi RM, Burnstock G, Pusey CD, et al. 2007. Increased expression of the pro-apoptotic ATP-sensitive P2X7 receptor in experimental and human glomerulonephritis. *Nephrol Dial Transplant* 22(2):386–95.
- 16- Wu H, Craft ML, Wang P, Wyburn KR, Chen G, Ma J, et al. 2008. IL-18 Contributes to Renal Damage after Ischemia-Reperfusion. *J Am Soc Nephrol*. American Society of Nephrology 19(12):2331–41.

A comparative study on the expression of the P2RX7 and IL-18 genes in blood samples of Glomerulonephritis disorders and normal persons

Ghadri A.,¹ Baghbani-Arani F.¹ and Mahdavi-Ourtakand M.²

¹ Dept. of Genetics and Biotechnology, School of Biological Science, Varamin-Pishva Branch, Islamic Azad University, Varamin, I.R. of Iran.

² Dept. of Biology, School of Biological Science, Varamin-Pishva Branch, Islamic Azad University, Varamin, I.R. of Iran.

Abstract

Glomerulonephritis is acute inflammation of the kidney, caused by an immune response. In the many of inflammatory diseases, the inflammasome plays key role. The inflammasomes are innate immune system receptors and sensors that regulate the activation of caspase-1 and induce inflammation. NLRP3 inflammasome pathway is a main pathway during inflammatory responses. The IL-18 and P2RX7 genes are respectively, an inflammatory factor and membrane receptor. The aim of this study is evaluation of IL-18 and P2RX7 genes expression in the glomerulonephritis patients and healthy individuals (control group) to determine the role of inflammasome in glomerulonephritis. Therefore, the blood samples of both groups (each group contains 28 samples) were collected. then the expression of the IL-18 and P2RX7 genes was studied by Real-Time PCR technique. The results indicated that expression of P2RX7 gene decreased at about 70% in comparison with the control group. In contrast, expression of IL-18 gene increased at about 5 fold in comparison with control. This study revealed that the IL-18 gene has a critical role in the inflammatory response of glomerulonephritis but its signaling pathway is independence from P2RX7 pathway.

Key words: Glomerulonephritis, IL-18, P2RX7, Inflammasome