

جداسازی و تعیین خصوصیت یک سویه مخمری دریازی مقاوم به سلنیت و کاربرد آن در

زی پالایی سلنیت

مراحم آشننگرف* و راضیه ارجمند

سنندج، دانشگاه کردستان، دانشکده علوم پایه، گروه علوم زیستی

تاریخ دریافت: ۹۴/۷/۱۵ تاریخ پذیرش: ۹۴/۱۱/۱۷

چکیده

کاربرد میکروارگانیسم‌ها به عنوان کاتالیست‌های طبیعی ارزان قیمت جهت کاهش و حذف سلنیت از پسابهای حاوی سلنیت به طور چشمگیری در حال افزایش است. در این مطالعه، توانمندی مخمرهای بومی دریازی مقاوم به سلنیت در زی پالایی آلودگی‌های محیطی به سلنیت مورد بررسی قرار گرفت. نمونه‌گیری از دریای خزر و خلیج فارس انجام گرفت. جداسازی از طریق غنی‌سازی در محیط‌های حاوی سلنیت صورت گرفت. از روش میکروتیترپلنت برای تعیین الگوی مقاومت سویه‌های مخمری استفاده شد. سنجش میزان حذف سلنیت از طریق روش رنگ‌سنجی انجام شد. شناسایی مولکولی با تکثیر توالی نوکلئوتیدی ITS1-5.8S-ITS2 rDNA انجام شد. تأثیر پارامترهای مختلف از جمله غلظت‌های اولیه سلنیت، توده سلولی، کلرید سدیم و اثرات دما، pH، دور شیکر و مدت زمان واکنش بر کارایی فرآیند حذف بررسی شد. براساس نتایج به دست آمده در این مطالعه، سویه مخمری Cas se5 (جدا شده از دریای خزر) با بالاترین مقاومت (۲۲g/L) به عنوان سویه برتر تحت نام *Trichosporon* شناسایی شد. نتایج به دست آمده از آزمایشات حذف سلنیت نشان داد که مخمر مذکور بیش از ۹۳ درصد از سلنیت موجود در محیط واکنش را تحت شرایط بهینه شده غلظت سلنیت ۱۰ گرم در لیتر، غلظت توده سلولی ۳۵ گرم در لیتر، غلظت کلرید سدیم ۲/۵ درصد وزنی/حجمی، pH برابر ۷/۴، دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد و دور همزن ۱۰۰rpm حذف نموده و غلظت سلنیت اولیه از ۱۰ g/L به حدود ۰/۷ g/L با نرخ حذف ۰/۲۶ g/L/h پس از ۷۲ ساعت گرماگذاری کاهش یافته است. این اولین گزارش از جداسازی جنس *Trichosporon* با قابلیت حذف سلنیت از دریای خزر است. انتظار می‌رود مخمر مذکور بتواند به عنوان کاتالیست نقش مهمی در زی پالایی آلودگی آبها و فاضلاب کارخانه‌های آلوده به سلنیت ایفاء نماید.

واژه‌های کلیدی: الگوی مقاومت، زی پالایی، سلنیت، *Trichosporon* sp. Cas se5

* نویسنده مسئول، تلفن: ۰۸۷-۳۳۶۶۴۶۰۰، پست الکترونیکی: m.ashengrogh@uok.ac.ir

مقدمه

مشکلات جدی در آبهای زیرزمینی، آبهای سطحی و منابع خاک می‌شود و توجه به رفع آلودگی این مواد بسیار حائز اهمیت است (۱۰ و ۱۳). یکی از موارد آلودگی پسابها اکسی‌آنیونهای سلنیوم است. آلودگی سلنیومی در سراسر جهان پراکنده است و ارتباط زیادی با فعالیتهای انسانی دارد (۱۷). عنصر سلنیوم با توجه به خواص آنتی‌اکسیدانتی، از نظر فیزیولوژیک یک ریز مغذی ضروری برای سیستمهای زنده است و نقش مهمی در سلامت

آلودگی هوا، خاک و آب با مواد شیمیایی سمی و خطرناک، خطرات بالایی را برای موجودات زنده به صورت مستقیم و غیر مستقیم ایجاد کرده است. فلزات سنگین و اکسی‌آنیونهای سمی به واسطه طبیعت غیر قابل تجزیه و اثرات سمی شناخته شده بر روی چرخه حیات مشکلات زیست محیطی فراوانی را به وجود می‌آورند. تخلیه نامناسب پسابهای حاوی فلزات و اکسی‌آنیونهای سمی نه تنها برای زندگی انسان و حیوانات سمی است بلکه سبب بروز

روش‌های شیمیایی (رسوب‌دهی شیمیایی، الکتروشیمیایی و تبادل کننده‌های یونی آلی) و روش‌های فیزیکی (جذب سطحی و اسمز معکوس) ابداع و در مواردی به کار گرفته شده‌اند (۴). با این حال بسیاری از روش‌های فیزیکی و شیمیایی مذکور از نظر مصرف مواد شیمیایی سمی، حجم بالای پسماند، مصرف انرژی بالا، آلودگی زیست‌محیطی و ناکارآمدی در کاهش یا حذف سلنیت در غلظت‌های پایین غیر اقتصادی هستند (۸). بنابراین زیست‌پالایی میکروبی از نظر هزینه مقرون به صرفه و کارآمد است و می‌تواند به عنوان جایگزینی متناسب با اصول حفاظت از محیط زیست در مقایسه با روش‌های فیزیکوشیمیایی پیشنهاد شود (۵). خصوصیت میکروارگانیسم‌ها در جذب و تجمع زیستی فلزات و مواد سمی از پساب‌ها این امکان را فراهم کرده که بتوان از آنها به عنوان کاتالیست‌های طبیعی ایمن و ارزان قیمت در جهت حذف یا کاهش فلزات سمی در مقیاس صنعتی استفاده نمود. به علاوه از مزیت‌های مهم آن استفاده مجدد از توده زیستی میکروبی برای این فرآیند است (۱). بسیاری از میکروارگانیسم‌ها می‌توانند محدوده‌ای از ۵ تا ۲۰۰۰ میکروگرم در لیتر از ترکیبات سلنیومی را از طریق واکنش‌های اکسیداسیون احیاء و تبدیل فرم غیر معدنی به فرم معدنی تحمل کنند (۳). گونه‌های باکتریایی مختلف از گروه باکتریهای هتروتروف هوازی (۲۱) باکتریهای هتروتروف بی‌هوازی (۱۴) و باکتریهای شیمیوتروف متفاوتی شناخته شده‌اند که در حذف اکسی‌آنیون سمی سلنیت و تبدیل آن به فرم کمتر سمی سلنیوم عنصری نقش دارند (۱۳). علاوه بر این توانمندی قارچ‌هایی رشته‌ای متعلق به جنس‌های *Aspergillus* و *Fusarium* و مخمرهایی مانند *Candida utilis*، *Yarrowia lipolytica* و *Saccharomyces cerevisiae* در سم‌زدایی سلنیت گزارش شده است (۱۴). سویه‌های مخمری به دلیل فراوانی در خاک‌های غنی و زیستگاه‌های آبی، میزان بالای رشد در محیط‌های کشت ارزان، سهولت رشد و تولید توده زیستی فراوان از روش‌های تخمیری صنعتی، سطح تعامل بالا با

جامعه ایفا می‌کند. با این وجود مواجهه حاد و مزمن با غلظت‌های بالای سلنیوم محلول بسیار سمی است (۲). محدوده بین مقدار حداقل این عنصر (جهت تشخیص) و حداکثر (سمیت) سطوح قابل تحمل این عنصر در موجودات مختلف کمتر از یک میلی‌گرم در لیتر است. اگرچه سلنیوم در طی فرسایش طبیعی و مکانیسم شست‌وشوی سنگ‌های سلنوفروس وارد طبیعت می‌شود، منابع دیگری چون آلودگی خاک، آب شیرین، آب‌های زیرزمینی و محتویات رسوبات شامل: ذوب فلزات، حمل و نقل، پالایش، بهره‌برداری و احتراق سوخت‌های فسیلی در نیروگاه، تولید رنگدانه، تولید شیشه و آبیاری مکرر خاک‌های کشاورزی غنی از سلنیوم می‌باشد (۲۲). در طبیعت سلنیوم در غلظت‌های ۰/۱ تا ۲ میکروگرم در هر گرم از سطح خاک به صورت اکسی‌آنیون‌های سلنات (Se(IV)، سلنیت (Se(IV)، سلنید (Se(-II) و سلنیوم عنصری Se⁰ وجود دارد. در غلظت‌های بالا، اکسی‌آنیون‌های سلنیوم برای گیاهان و جانوران سمی هستند (۳). سمیت فرم‌های اکسی‌آنیونی سلنیوم به درجه حلالیتشان در آب بستگی دارد و تأثیرات زیستی آنها را افزایش می‌دهد. سلنیت و سلنات دوگونه انحلال‌پذیر سلنیوم هستند که اغلب در محیط‌های هوازی یافت می‌شوند. هر دو این اکسی‌آنیون‌ها سمی بوده و تمایل به تجمع زیستی دارند. سلنیوم در شکل ۴ ظرفیتی (سلنیت) نسبت به سلنیوم در حالت ۶ ظرفیتی (سلنات) سمیت بیشتری برای موجودات دارد (۷). سمیت سلنیت می‌تواند منجر به ایجاد شرایطی به نام سلنوسیس شده که می‌تواند بلند مدت یا کوتاه مدت باشد. علائم سلنوسیس شامل: ناراحتی‌های دستگاه گوارش، ریزش مو، لکه‌های سفید ناخن، خستگی، تحریک پذیری (حساسیت)، آسیب عصبی خفیف، لرزش، نورپاتی محیطی و عدم هوشیاری و علائم شدید مسمومیت شامل سیروز کبدی، ادم ریوی، ترومبوسیتوپنی، مشکلات غدد تیروئید و مرگ را می‌توان نام برد (۱۹). تاکنون روش‌های مختلفی برای حذف اکسی‌آنیون‌های سمی سلنیوم از محیط‌های آبی و پساب‌ها شامل

بطریهای استریل برداشت و به آزمایشگاه منتقل شد. ۲۰ میلی لیتر از نمونه های آب جمع آوری شده به لوله های فالكون استریل ۴۵ میلی لیتری منتقل شد و در دور rpm ۴۵۰۰ به مدت ۱۰ دقیقه سانتریفیوژ شد. سپس محلول رویی را دور ریخته و مقدار یک میلی لیتر از مایع تحتانی به محیطهای کشت اختصاصی و غنی کننده مخمرهای دریازی شامل YPD آگار (۲ درصد گلوکز، ۲ درصد پپتون، ۱ درصد عصاره مخمر، ۲ درصد آگار و pH برابر ۵/۸) حاوی سه درصد نمک کلرید سدیم و ۱۰۰ نانوگرم بر میکرولیتر آنتی بیوتیک کلرامفنیکل منتقل شد (۱۸). به محیطهای کشت مذکور، یون سلنیت در غلظت نهایی ۵ گرم در لیتر، پس از استریل شدن توسط فیلترهای سرسرنگی ۰/۲۵ میکرونی، افزوده شد. پلیتها به مدت سه تا پنج روز در دمای ۲۸ درجه سانتی گراد گرماگذاری شدند. کلنیهای مخمری با استفاده از ویژگیهای ظاهری مشخص شدند. به منظور خالص سازی سویه های مخمری غنی شده، هر کلونی مخمر به محیطهای کشت YPD آگار منتقل و به روش خطی کشت داده شد. تجدید کشت تا حصول اطمینان از خالص بودن جدایه های مخمری انجام شد.

بررسی الگوی مقاومت سویه های مخمری به اکسی آنیون سلنیت: برای به دست آوردن الگوی مقاومت سلنیتی سویه های مخمری جدا شده، از دستگاه الیزا ریدر و روش میکروتیترپلیت استفاده شد (۲۵). در این روش پس از تهیه محلول استوک سلنیت استریل و تهیه رقتهایی از غلظتهای استفاده شده (۵ تا ۲۵ گرم در لیتر) در محیط YPD براث، به میزان ده میکرولیتر از سوسپانسیون تهیه شده از کشت ۲۴ ساعته جدایه های مخمری (با تراکم نیم مک فارلند) به چاهکهای الیزای حاوی ۱۴۰ میکرولیتر YPD براث شامل غلظتهای مشخصی از یون سلنیت، اضافه گردید. پلیتهای مذکور در دمای ۲۸ درجه سانتی گراد به مدت ۴۸ ساعت گرماگذاری شدند. پس از طی مدت زمان گرماگذاری

محیط اطراف، جذب کارآمد مواد معدنی و تبدیل آنها در ساختارهای سلولی، به عنوان کاتالیستهای طبیعی ایمن و ارزان قیمت برای پاکسازی پسابهای آلوده کاربرد زیادی می‌توانند داشته باشند. هدف کلی از انجام این پژوهش، غنی سازی مخمرهای بومی دریازی مقاوم به سلنیت و ارزیابی توانمندی آنها در بهسازی آلودگیهای محیطی به اکسی آنیون سمی سلنیت بود. در این تحقیق، برای اولین بار توانمندی مخمرهای دریازی بومی در آزمایشات سلنیت زدایی مورد بررسی قرار گرفت و حذف سلنیت در سویه مخمری بومی تریکوسپورون (جدا شده از دریای خزر) گزارش شد. امید می رود این مخمر بتواند به عنوان کاتالیست نقش مهمی در زی پالایی آلودگی آبها و فاضلاب کارخانه های آلوده به سلنیت ایفاء نماید.

مواد و روشها

مواد شیمیایی: سلنیت سدیم و حلال تولوئن از شرکت سیگما-آلدریج انگلستان خریداری شد. معرف ۳ و ۳-دی آمینو بنزیدین از شرکت مرک آلمان تهیه شد. آنتی بیوتیک کلرامفنیکل از شرکت پادتن طب ایران تهیه شد. گلوکز، عصاره مخمر، نمک کلرید سدیم و پپتون از کمپانی مرک تهیه شد. آگار- آگار از شرکت دیفکو آمریکا تهیه شد. آگارز، K_2HPO_4 و KH_2PO_4 از مرک خریداری شد. مواد استفاده شده در واکنش PCR از شرکت تکاپو زیست ایران خریداری شد.

غنی سازی مخمرهای دریازی با پتانسیل تحمل پذیری ذاتی نسبت به یون سمی سلنیت: برای غنی سازی مخمرهای دریازی بومی مقاوم به سلنیت، نمونه گیری از عمق ۱۵ سانتیمتری از آبهای دریای خزر و خلیج فارس انجام شد. ۲۵ نمونه آب از سواحل دریای خزر در سه استان مازندران، گیلان و گلستان و ۱۰ نمونه از سواحل جزایر قشم، کیش و لاوان در خلیج فارس با استفاده از

نمک سدیم کلراید بر روی محیط YPD آگار انجام شد. برای شناسایی مولکولی مخمر جدا شده، DNA ژنومی با استفاده از روش استاندارد فنتل - کلروفرم و تخریب به کمک دانه های شیشه ای استخراج شد. پس از استخراج DNA ژنومی سویه مخمیری Cas se5، با استفاده از یک جفت پرایمر نواحی ITS (Internal Transcribed Spacers)، شامل پرایمر بالادست ITS1 ITS4 (tccgtagtggaacctgctgg) و پرایمر پایین دست ITS2 (tctccgcttattgatatgc) تکثیر نواحی ژنی ITS1-5.8S انجام شد (۲۴). واکنش PCR در دستگاه ترمو سایکلر ساخت شرکت BioRad کشور آمریکا انجام شد. مخلوط واکنش PCR (۲۵ میکرولیتر) شامل ۱۲/۵ میکرولیتر Master mix (حاوی بافر PCR، MgCl₂، dNTPs و آنزیم Taq-polymerase)، یک میکرولیتر پرایمرهای بالادست و پایین دست (۱۰ میکرومولار)، یک میکرولیتر DNA الگو و ۹/۵ میکرولیتر آب PCR استفاده شد. شرایط دمایی واکنش در این فرآیند PCR به شرح زیر بود: واسرشت اولیه در دمای ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۵ دقیقه انجام شد. چرخه تکثیر شامل ۳۵ سیکل تکرار شونده با دمای واسرشت اولیه ۹۵ درجه سانتی گراد به مدت ۳۰ ثانیه، دمای اتصال ۵۵ درجه سانتی گراد به مدت ۲ دقیقه، پس از اتمام سیکلها و به منظور تکثیر و تکمیل نهایی DNA استخراج شده، نمونه ها به مدت ۱۰ دقیقه در دمای ۷۲ درجه سانتی گراد انکوبه شدند. پس از اطمینان از صحت انجام PCR توالی نوکلئوتیدی سویه مخمیری se29w جهت تعیین توالی به همراه پرایمرهای رفت (ITS1) و برگشت (ITS4) به شرکت ماکروژن کره جنوبی (توسط شرکت تکاپو زیست) ارسال شد. نتایج حاصل از تعیین توالی در بانک ژنی NCBI بررسی شد. سپس درخت فیلوژنی توالی سویه مخمیری Cas se5 با توالیهای حاصل از جستجو در پایگاه اطلاعات ژنی به کمک نرم افزار بیوانفورماتیک MEGA. 6 و با استفاده از

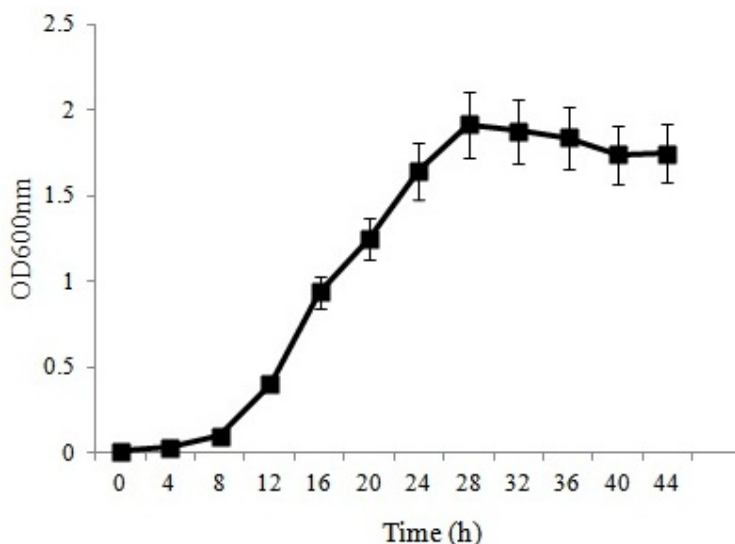
میزان کدورت توسط دستگاه الیزا ریدر (مدل Sunrise، TECAN، ساخت کشور سوئیس) در مقایسه با شاهد‌های تهیه شده در طول موج ۶۲۰ نانومتر قرائت شد. غلظت آخرین چاهک عدم رشد به عنوان MIC (حداقل غلظت مهارکنندگی رشد) ثبت گردید. آزمایشات برای هر جدایه مخمیری و هر غلظت به کار گرفته شده سه بار تکرار شد.

شناسایی مولکولی سویه مخمیری Cas se5: شناسایی اولیه سویه مخمیری PGO6 بر مبنای ویژگیهای ریخت شناسی و بیوشیمیایی، بر اساس استاندارد طبقه بندی Kurtzman and Fell (۱۶) انجام شد. جهت تشخیص مورفولوژی سلولی با میکروسکوپ نوری، لام مرطوب از کشت مایع دو روزه در محیط کشت YPD تهیه و بررسی گردید. جهت انجام شناسایی جذب قندها از محیط YNB (Yeast nitrogen base) استفاده گردید. این محیط که حاوی انواع نوتریتنها، ویتامینها، فاکتورهای رشد و عناصر کمیاب می باشد به صورت آماده از شرکت HIMDEIA هند خریداری شد. پس از اضافه نمودن منابع قندی مختلف در غلظت ۵ درصد به محیط مذکور، محلولهای فوق با استفاده از فیلترهای سرنگی ۰/۴۵ میکرونی استریل شد. سپس به لوله های حاوی مواد قندی تهیه شده، سوسپانسیون رقیقی از سویه مخمیری فوق تلقیح شد. پس از آن لوله ها در دمای ۲۵ درجه سانتی گراد و به مدت ۳ هفته در انکوباتور شیکردار قرار داده شدند. جذب قندها از روی کدورت در مقایسه با شاهد‌ها تخمین زده شد. جهت شناسایی تستهای تخمیری هیدراتهای کربن، معادل ۲ گرم از منابع قندی مختلف در محلول ۱ درصد عصاره مخمر حل شد و سپس ۵ میلی لیتر از محیط ساخته شده قندی به لوله های آزمایش حاوی لوله های دورهام، اضافه شد. بدنبال اتوکلاو نمودن با استفاده از لوپهای سوزنی از یک کشت فعال مخمیری به محیطهای فوق تلقیح و سپس لوله ها در دمای ۲۵ درجه سانتی گراد به مدت ۳ هفته در انکوباتور قرار داده شدند. رشد در دماهای مختلف و در غلظتهای مختلف

الگوریتم Neighbour-Joining method رسم شد. بررسی اعتبار شاخه با Bootstrap=1000 انجام شد (۲۳).

اثر پارامترهای مختلف روی حذف سلنیت تحت شرایط سلولهای در حال استراحت سویه مخمری Cas se5: برای تهیه سلولهای در حال استراحت، سلولها در محیط YPD به مدت ۴۴ ساعت رشد داده شدند. در فواصل زمانی هر ۴ ساعت یک بار میزان دانسیته سلولی

(OD_{600nm}) اندازه‌گیری و منحنی رشد ترسیم شد (شکل ۱). سپس سلولها با استفاده از سانتریفیوژ یخچالی (۳۰۰۰، ۱۰ دقیقه، ۴ درجه سانتی‌گراد) برداشت و توده سلولی سه مرتبه با بافر فسفات (KH₂PO₄/K₂HPO₄) شستشو داده شد. از این سلولهای برداشت شده از انتهای فاز رشد لگاریتمی (ساعت ۲۸ ام) به عنوان کاتالیست برای آزمایشات سلنیت زدایی استفاده شد.



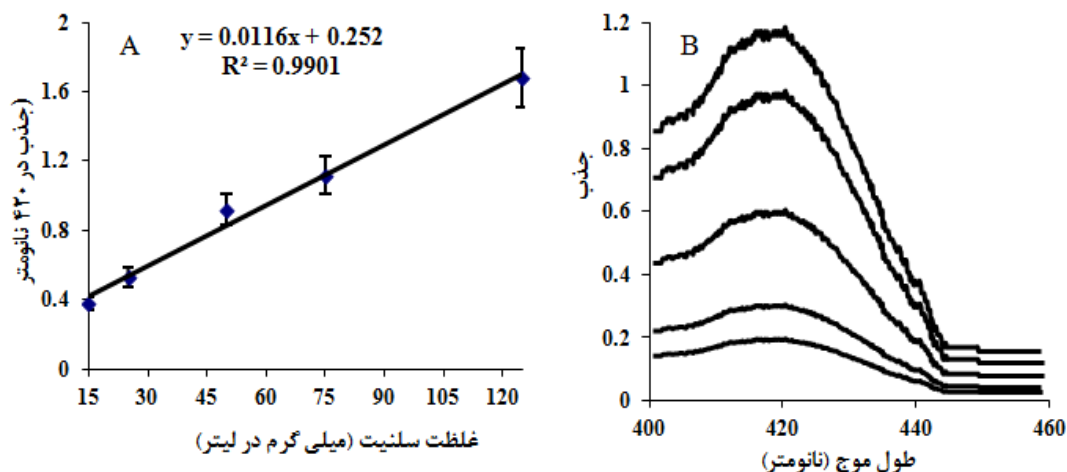
شکل ۱- منحنی رشد سویه مخمری Cas se5 در محیط کشت مایع YPD تحت شرایط دمایی ۳۰ درجه سانتی‌گراد و دور شیکر ۱۵۰ rpm

گردید (شکل ۲ قسمت‌های A و B). جهت ارزیابی اثر غلظتهای اولیه یون سلنیت، حذف سلنیت در غلظتهای مختلف (۲/۵ تا ۲۰ گرم در لیتر) سنجیده شد. سایر عوامل شامل غلظت اولیه توده سلولی ۱۰ گرم در لیتر، دمای ۲۸ درجه سانتی‌گراد، pH برابر ۵/۸، دور شیکر ۱۵۰ rpm و زمان گرماگذاری ۲۴ ساعت، ثابت در نظر گرفته شدند. همچنین حذف سلنیت در غلظتهای مختلف از توده سلولی بر حسب وزن تر (۱۰ تا ۵۰ گرم در لیتر)، غلظتهای مختلف نمک کلرید سدیم (۱ تا ۵ درصد وزنی/حجمی)، در شرایط pH (۵/۸ تا ۷/۸)، دمای (۲۵ تا ۳۵ درجه سانتی‌گراد) در محیط واکنش زیست‌تبدیلی حاوی ۱۰ گرم در لیتر یون سلنیت و پس از ۲۴ ساعت گرماگذاری تخمین زده شد. پس از بهینه‌سازی عوامل واکنش زیست‌تبدیلی

برای ارزیابی حذف سلنیت توسط سویه مخمر Cas se5 از روش Hurlbut و همکاران طبق استاندارد AOAC (Association of Official Analytical Chemists) استفاده شد. در این روش معرف ۳ و ۳- دی‌آمینو بنزیدین با یون سلنیت واکنش داده و یک ترکیب زرد رنگ ایجاد می‌شود که پس از استخراج در حلال تولوئن، جذب مخلوط در ۴۲۰ نانومتر توسط دستگاه اسپکتروفتومتر (Analytik Jena's spectrophotometer SPECORD 210, Carel Zeiss Technology, Germany) خوانده شد (۱۱). برای رسم منحنی استاندارد، ابتدا غلظتهای مختلف از محلولهای استاندارد سلنیت تهیه و سپس به کمک رسم منحنی کالیبراسیون و تهیه معادله خط منحنی استاندارد، غلظت سلنیت باقیمانده در مخلوط واکنش زیست‌تبدیلی تعیین

اولیه ضربدر ۱۰۰ تخمین زده شد. تمام آزمایشات به صورت سه تایی انجام شد و نتایج به صورت میانگین گزارش شد. در بخش نتایج خطاهای آزمایش به صورت خطای معیار نمایش داده شد.

از طریق روش تک‌عاملی، اثر زمان‌گرماگذاری (۱۲، ۲۴، ۴۸، ۶۰، ۷۲ و ۸۴ ساعت) بر حذف سلنیت توسط سویه مخمر بومی Cas se5 بررسی شد. درصد حذف سلنیت از تقسیم تفاضل غلظت اولیه و غلظت باقی‌مانده بر غلظت



شکل ۲- (A) رسم منحنی کالیبراسیون با استفاده از جذب محلولهای استاندارد سلنیت و (B) طیف جذبی محلول سلنیت- معرف در حلال تولوئن

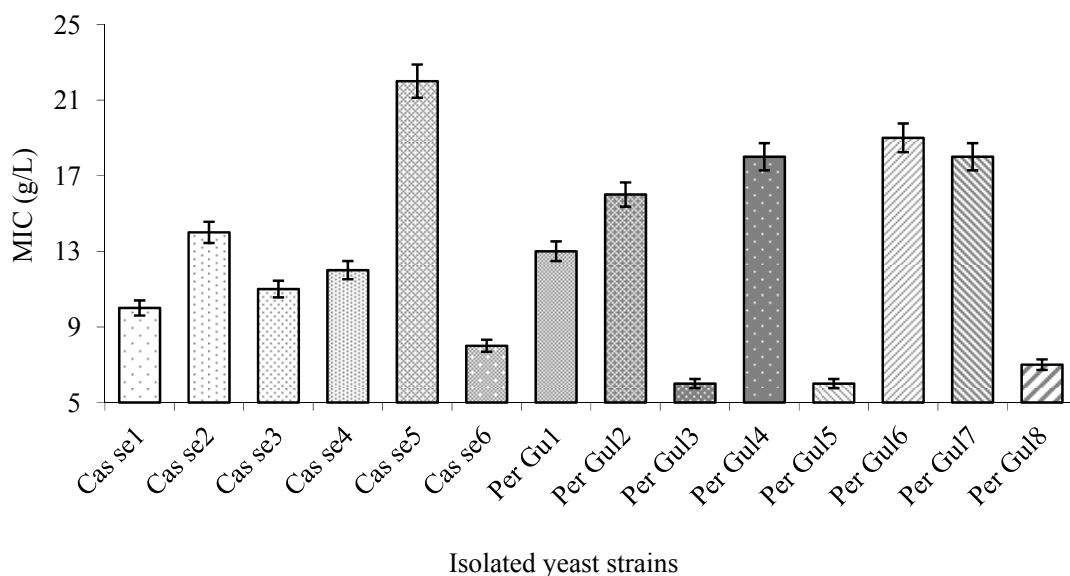
سلنیت جداسازی شد. در این میان، ۱۴ سویه مخمری (۶ سویه مربوط به دریای خزر و ۸ سویه مربوط به خلیج فارس) دارای قابلیت احیای سلنیت به سلنیوم عنصری بودند که نتیجه آن ایجاد کلنیهای قرمز رنگ در محیط YPD آگار حاوی سلنیت بود. سویه های مذکور به عنوان سویه های برتر انتخاب شدند. در ادامه به منظور انتخاب بهترین سویه مخمری کارآمد جهت انجام آزمایشات سلنیت زدایی، تست MIC صورت گرفت (شکل ۳). تعیین الگوی مقاومت سویه های مخمری جدا شده با توجه به MIC نشان داد که بیشترین مقاومت به یون سمی سلنیت (تحمل پذیری بالاتر از ۲۲ گرم در لیتر) مربوط به سویه Cas se5 (جدا شده از دریای خزر) بود. همچنین کمترین میزان مقاومت با مقدار MIC ۶ گرم در لیتر در سویه مخمری Per Gul3 مشاهده شد. در سایر مخمرهای جدا

تجزیه و تحلیل آماری: تحلیل آماری نتایج با استفاده از نرم افزار SPSS11.5، در دو سطح توصیفی و استنباطی انجام شد. در سطح توصیفی از شاخصهای میانگین و انحراف معیار و در بخش آمار استنباطی از آنالیز واریانس یک طرفه و براساس آزمون چند دامنه ای دانکن استفاده شد. حداقل سطح معناداری در تمام آزمون فرضیه های مربوط ($P < 0.05$) در نظر گرفته شد.

نتایج

غنی سازی و تعیین الگوی مقاومت به سلنیت در سویه های مخمری بومی دریازی: در طی غربال گری مخمرهای آبی مقاوم به سلنیت، از مجموع ۳۵ نمونه آب جمع آوری شده از دریای خزر و خلیج فارس، حدود ۳۷ سویه مخمری با پتانسیل تحمل پذیری ۵ گرم در لیتر یون

شده محدوده مقاومت سویه‌ها نسبت به یون سمی سلنیت بین ۶ تا ۲۲ گرم در لیتر مشاهده شد (شکل ۳).



شکل ۳- نمودار نتایج حاصل از میزان غلظت ممانعت‌کننده رشد سویه‌های مخمری جدا شده از نمونه‌های آب جمع‌آوری شده از سواحل دریای خزر و خلیج فارس. آزمایشات سه بار تکرار شده است و خط‌های آزمایش به صورت خطای معیار نمایش داده شده است.

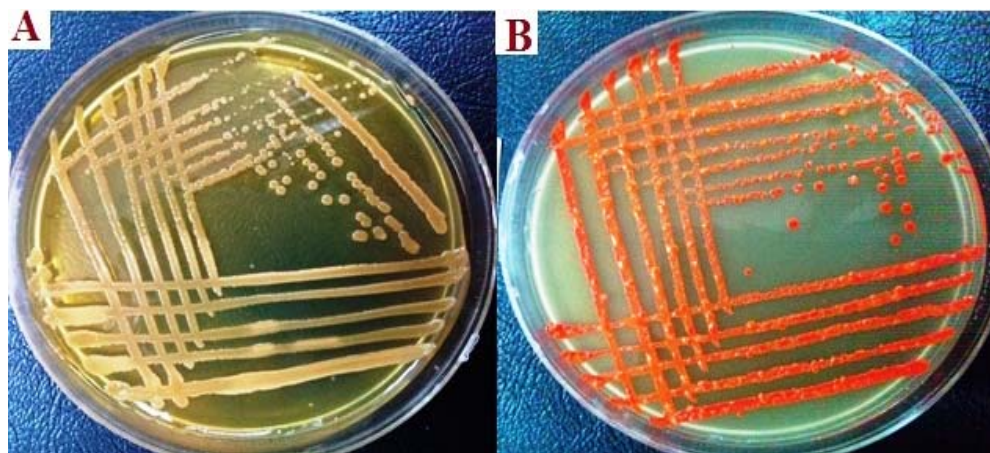
زایلوز، سلوبیوز و د- ریبوز را دارد. نتایج تست‌های جذب گلیسرول، تری هالوز، آرابینوز، اسید سیتریک و نترات پتاسیم حکایت از عدم توانایی سویه مخمری مذکور در مصرف منابع کربن و ازت مذکور می‌باشد. براساس نتایج به دست آمده از آزمون‌های فنوتیپی و بیوشیمیایی و بر طبق کتاب‌های مرجع، سویه Cas se5 به طور موقت در جنس *تریکوسپورون* تعیین هویت شد. در ادامه به منظور تعیین هویت مولکولی سویه مخمری Cas se5 یک قطعه ۵۵۱ جفت بازی با استفاده از پرایمرهای ITS1 و ITS4 تکثیر و تعیین توالی شد. شکل ۵ تصویر حاصل از الکتروفورز محصول PCR مخمر جداسازی شده در این مطالعه را نشان می‌دهد. در ادامه به منظور شناسایی سویه مخمری مذکور، نتایج حاصل از تعیین توالی با توالی‌های موجود در بانک ژنی NCBI بلاست شد و سپس درخت فیلوژنی برای مخمر مذکور ترسیم شد (شکل ۶). در نهایت توالی ITS1-5.8S-ITS2 برای سویه مخمری Cas se5 که از لحاظ فیلوژنتیکی دارای شباهت ۹۹ درصدی با

شناسایی فیلوژنتیکی سویه جداسازی شده Cas se5: از نظر رنگ کلنی سویه مخمری Cas se5 بر روی محیط کشت YPD آگار به شکل کلنی‌های نرم و صاف و به رنگ زرد متمایل به کرم مشاهده شد (شکل ۴ قسمت A). همچنین سویه مذکور دارای پتانسیل احیای یون سلنیت به سلنیوم عنصری که با ایجاد کلنی قرمز رنگ در محیط کشت قابل شناسایی است، می‌باشد (شکل ۴ قسمت B). از نظر تست‌های فیزیولوژیک و بیوشیمیایی کلیدی از جمله هیدرولیز اوره، رشد بر روی محیط کشت حاوی سیکلوهاگزامید و همچنین رشد در دمای ۳۵ درجه سانتی‌گراد و نمک سدیم کلراید با غلظت ۵ درصد (وزنی/حجمی) مثبت بود. نتایج تست‌های تخمیر کربوهیدرات سویه Cas se5 بیانگر عدم توانایی سویه مذکور در مصرف گلوکز، سوکروز، لاکتوز، مالتوز، گالاکتوز و تری هالوز بود. بررسی تست‌های جذب منابع کربن و ازت در سویه مخمری مذکور نشان داد که سویه Cas se5 قابلیت جذب گلوکز، گالاکتوز، مالتوز، سوکروز،

دسترسی **KT033396** در بانک ژنی ثبت نهایی شد.

Trichosporon sp. (با شماره دسترسی JX270347) بود

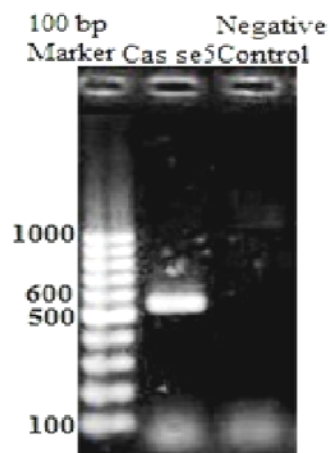
به عنوان *Trichosporon* sp. strain Cas se5 با شماره



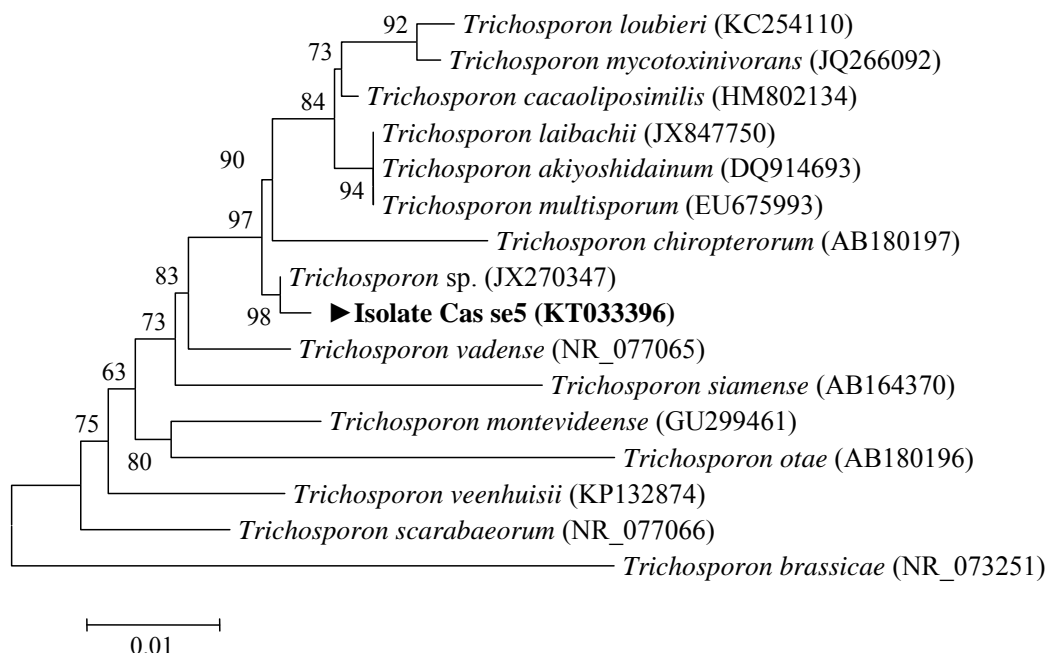
شکل ۴- سویه مخمری خالص شده Cas se5 در محیط کشت YPD آگار پس از ۴۸ ساعت گرماگذاری در دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد و (B) کلنی سویه مخمری Cas se5 در محیط کشت YPD آگار حاوی ۲۰ گرم در لیتر یون سلنیت پس از ۴۸ ساعت گرماگذاری در دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد.

برای این منظور، تأثیر غلظتهای اولیه یون سلنیت در محدوده ۲/۵ تا ۲۰ گرم در لیتر در محیط بافری فسفات حاوی ۱۰ گرم در لیتر توده سلولی (بر حسب وزن تر) به عنوان بیوکاتالیزور، دمای ۲۸ درجه سانتی‌گراد، pH برابر ۵/۸، دور شیکر rpm ۱۵۰ و پس از ۲۴ ساعت گرماگذاری بررسی شد (شکل ۷a). نتایج نشان داد که با افزایش غلظت سلنیت تا ۱۰ گرم در لیتر راندمان حذف افزایش می‌یابد. این در حالی است که در غلظتهای بالاتر میزان حذف در نتیجه کاهش فعالیت متابولیک و یا سمیت سلنیت کاسته شده است. این امر نشان دهنده این واقعیت است که حذف به شدت تابعی از غلظت اولیه یون سلنیت است. در نمودار شکل ۷b اثر غلظتهای مختلف توده سلولی بر میزان حذف سلنیت توسط مخمر بومی *تریکوسپورون* سویه Cas se5 در غلظتهای مختلف توده سلولی در محیط بافری فسفات حاوی ۱۰ گرم در لیتر یون سلنیت، دمای ۲۸ درجه سانتی‌گراد، pH برابر ۵/۸، دور شیکر rpm ۱۵۰ و پس از ۲۴ ساعت گرماگذاری نشان داده شده است.

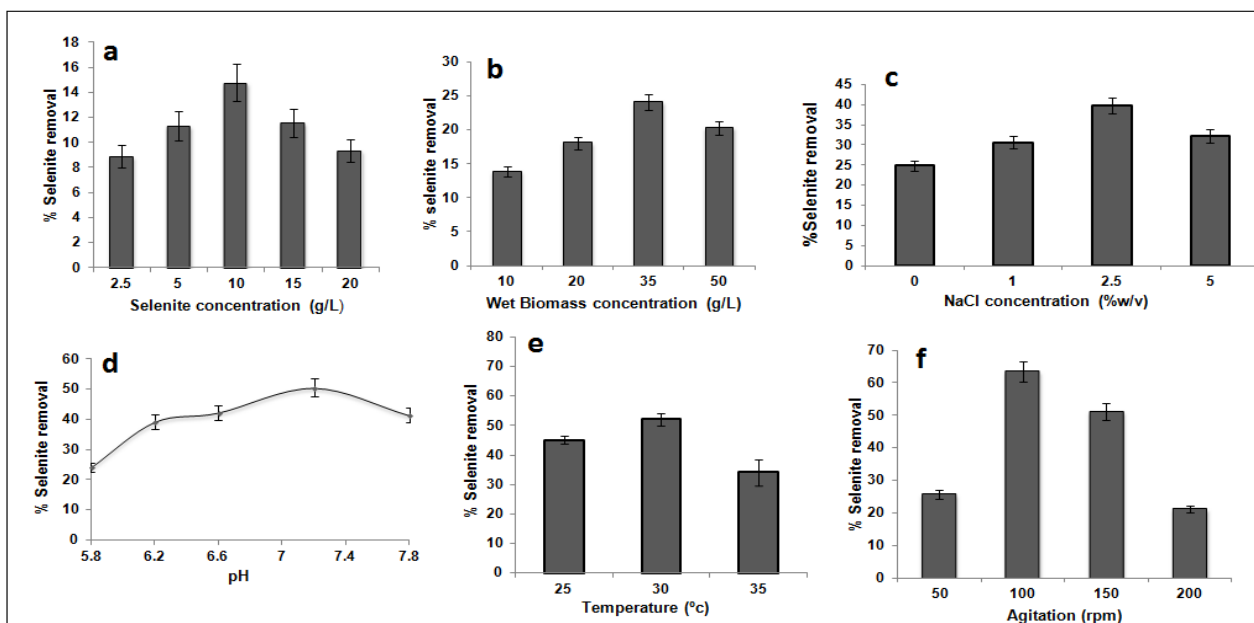
اثر عامل‌های مختلف بر روی حذف سلنیت توسط مخمر بومی *تریکوسپورون* سویه Cas se5: در این بخش از پژوهش، با هدف بهینه‌سازی راندمان حذف سلنیت تحت شرایط سلولهای در حال استراحت مخمر بومی *تریکوسپورون* از روش تک عاملی استفاده شد.



شکل ۵- تصویر ژل الکتروفورز محصول PCR سویه مخمری جداسازی شده با قابلیت مقاومت همراه با احیای اکسی‌آنیون سمی سلنیت



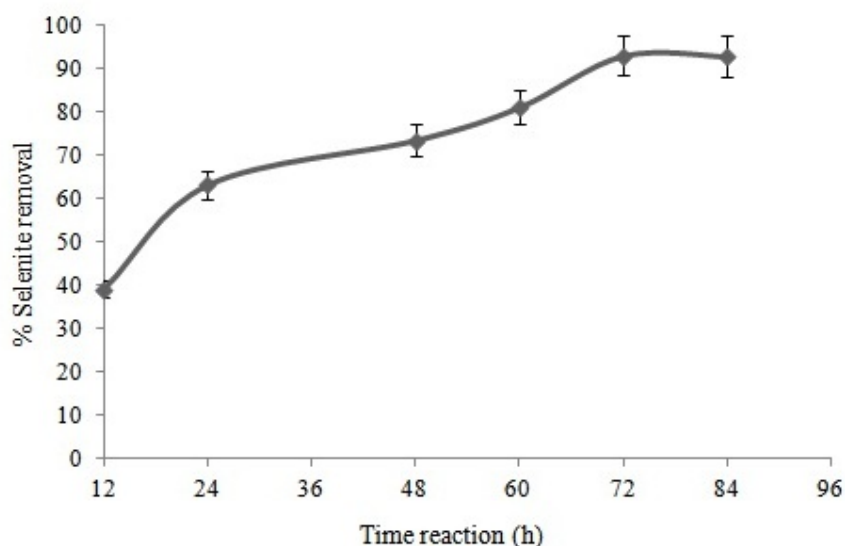
شکل ۶- ترسیم درخت فیلوژنی سویه مخمری Cas se5 با استفاده از نرم افزار MEGA. 5 و براساس روش Neighbor-Joining. اعداد داخل پراتنز مربوط به شماره قابل دستیابی در بانک ژن می باشد. *Trichosporon brassicae* به عنوان outgroup انتخاب شده است.



شکل ۷- نمودارهای اثر عوامل مختلف بر میزان حذف سلنیت توسط مخمر بومی *Trichosporon* سویه Cas se5 در محیط بافری فسفات. آزمایشات سه بار تکرار شده است و خطاهای آزمایش به صورت خطای معیار نمایش داده شده است.

۱۵۰ و پس از ۲۴ ساعت گرماگذاری در نمودار شکل ۷c نشان داده شده است. نتایج نشان داد که غلظت‌های نمک بر میزان حذف بسیار موثرند. میزان حذف در محیط فاقد نمک ۲۴/۸۹ درصد بوده است این در حالی است که در حضور ۲/۵ درصد نمک کلرید سدیم، ۳۹/۷۸ درصد سلنیت از محیط واکنش حذف شده است.

نتایج نشان داد که بالاترین درصد حذف (۲۴/۱۲ درصد) در غلظت ۳۵ گرم در لیتر مشاهده شده است. حذف سلنیت توسط مخمر بومی جداسازی شده در غلظت‌های مختلف نمک کلرید سدیم در محیط بافری فسفات حاوی ۱۰ گرم در لیتر یون سلنیت، ۳۵ گرم در لیتر توده سلولی، دمای ۲۸ درجه سانتی‌گراد، pH برابر ۵/۸، دور شیکر rpm



شکل ۸- نمودار اثر زمان گرماگذاری بر میزان حذف سلنیت توسط مخمر بومی *Trichosporon* در محیط بافری فسفات حاوی ۱۰ گرم در لیتر یون سلنیت، ۳۵ گرم در لیتر توده سلولی، ۲/۵ درصد نمک کلرید سدیم، pH برابر ۷/۴، دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد و دور شیکر rpm ۱۰۰ در دور زمانی ۸۴ ساعت. آزمایشات سه بار تکرار شده است و خطاهای آزمایش به صورت خطای معیار نمایش داده شده است.

است. اثر دماهای مختلف در حذف سلنیت توسط مخمر غربال‌گری شده در محیط بافری فسفات حاوی ۱۰ گرم در لیتر یون سلنیت، ۳۵ گرم در لیتر توده سلولی، ۲/۵ درصد کلرید سدیم، pH برابر ۷/۴، دور شیکر rpm ۱۵۰ و پس از ۲۴ ساعت گرماگذاری در شکل ۷e قابل مشاهده است. نتایج نشان داد که راندمان حذف در دمای ۲۵ درجه سانتی‌گراد ۴۵/۱۲ درصد، دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد ۵۲/۱۱ درصد و دمای ۳۵ درجه سانتی‌گراد ۳۴/۱۲ درصد می‌باشد که بیانگر دمای بهینه ۳۰ درجه سانتی‌گراد برای حذف سلنیت توسط سویه مورد مطالعه است. در نمودار شکل ۷f، اثر دور شیکر های متفاوت در حذف سلنیت

اثر pH های مختلف در محدوده ۵/۸ تا ۷/۸ در حذف سلنیت توسط مخمر بومی *تری‌کوسپورون* در محیط بافری فسفات حاوی ۱۰ گرم در لیتر یون سلنیت، ۳۵ گرم در لیتر توده سلولی، ۲/۵ درصد کلرید سدیم، دمای ۲۸ درجه سانتی‌گراد، دور شیکر rpm ۱۵۰ و پس از ۲۴ ساعت گرماگذاری در شکل ۷d نشان داده شده است. نتایج نشان داد که در pH بهینه ۷/۸ مخمر مذکور ۵۰/۴۴ درصد از سلنیت موجود در محیط واکنش زیست‌تبدیلی را تحت شرایط بهینه شده از نظر غلظت اولیه سلنیت (۱۰ گرم در لیتر)، غلظت اولیه توده سلولی (۳۵ گرم در لیتر) و غلظت کلرید سدیم (۲/۵ درصد وزنی/حجمی) را حذف کرده

ترکیب سمی سلنیت از محیط زیست به ویژه از پسابهای صنعتی، فاضلابهای آلوده و آبهای آشامیدنی شده است. میکروارگانیسم‌ها مکانیسمهای متفاوتی در جهت سم زدایی محیط زیست از اکسی‌آنیونهای سلنیوم و جلوگیری از اثرات سمی شدید آنها بر موجودات زنده دارند که از آن جمله می‌توان به احیاء کردن، متیله کردن، رسوب دادن، تشکیل کمپلکس، تبخیر و تجمع داخل سلولی اشاره کرد (۳ و ۷). میکروارگانیسم‌های ساکن در زیستگاههای دریایی نسبت به انواع خشکی زی از نظر خصوصیات فیزیولوژیک و تنوع متابولیک متفاوت بوده و به طور معمول توانمندی بالایی در تولید فرآورده‌های فعال زیستی دارند. با توجه به سازگاری طولانی مدت میکروارگانیسم‌های ساکن در زیست بوم دریایی با شرایط سخت محیطی از نظر دما، pH، فشار، غلظتهای مختلف نمک و عناصر کمیاب، کاندیدهای مناسب به عنوان کاتالیست‌های مبتنی بر شیمی سبز برای مطالعات زیست‌پالایی میکروبی محسوب می‌شوند. از میکروبه‌های دریایی می‌توان بصورت طبیعی و بدون نیاز به دستکاری ژنتیکی برای زیست‌پالایی درجا (متکی بر میکروفلور بومی) فلزات و شبه فلزات سمی در شرایط سخت محیطی بهره‌جست (۶). در این راستا، در این تحقیق نمونه‌گیری از سواحل دریای خزر و خلیج فارس انجام گرفت. جداسازی مخمرهای دریایی مقاوم از طریق غنی‌سازی و کشت مستقیم در محیطهای جامد حاوی سلنیت صورت گرفت. در مجموع ۳۷ سویه مخمری با قابلیت تحمل پذیری ۵ گرم در لیتر یون سمی سلنیت غربال‌گری شد. از میان سویه‌های مخمری جداسازی شده ۱۴ سویه مقاوم با قابلیت احیای سلنیت به سلنیوم عنصری به عنوان سویه‌های برتر انتخاب شدند. میزان مقاومت سویه‌های برتر در غلظتهای ۶ تا ۲۲ گرم در لیتر سلنیت، ارزیابی شد. سویه مخمری Cas se5 (جدا شده از دریای خزر) با بالاترین مقاومت (۲۲ گرم در لیتر معادل ۱۷۳ میلی‌مولار) به عنوان سویه برتر مورد شناسایی مولکولی قرار گرفت و تحت

توسط مخمر مورد بررسی در محیط بافری فسفات حاوی ۱۰ گرم در لیتر یون سلنیت، ۳۵ گرم در لیتر توده سلولی، ۲/۵ درصد کلرید سدیم، pH برابر ۷/۴، دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد و پس از ۲۴ ساعت گرماگذاری نشان داده شده است. همان‌طور که در شکل قابل مشاهده است بیشترین میزان حذف سلنیت (۶۳/۴۴ درصد) در دور شیکر rpm ۱۰۰ صورت گرفته که حکایت از بهینه‌فعالیت آنزیم مؤثر احتمالی در حذف سلنیت در مقدار مشخصی از اکسیژن دارد. در نهایت پس از بهینه‌سازی شرایط واکنش حذف زیستی سلنیت از طریق روش تک‌عاملی و پیدا نمودن مقادیر مناسب از پارامترهای واکنش، اثر زمان گرماگذاری بر راندمان حذف مورد بررسی قرار گرفت (شکل ۸). براساس نتایج به دست آمده پس از ۷۲ ساعت گرماگذاری، سلولهای در حالت استراحت سویه مخمری Cas se5 توانستند بیش از ۹۳ درصد از سلنیت موجود در محیط زیست تبدیلی را حذف کنند که حکایت از پتانسیل مناسب کاتالیزور میکروبی مذکور در حذف سلنیت سمی از محیطهای واکنش دارد.

بحث و نتیجه‌گیری

با توجه به گسترش روزافزون صنایع و افزایش آلودگیهای محیطی نیاز به رفع خطرات ناشی از این آلودگیها محسوس است. از جمله این آلودگیها، فلزات سنگین و شبه فلزات است که از طریق دفع پسابها و زباله‌ها وارد کانالهای آب و در نتیجه زنجیره غذایی می‌گردند. آلودگی با فلزات سنگین مساله زیست محیطی جدی می‌باشد. بنابراین شناخت توانمندی میکروارگانیسم‌ها جهت حذف فلزات از مکانهای آلوده، آنها را به عنوان کاتالیستهای ارزان و مناسب جهت پالایش و حذف فلزات سمی معرفی کرده است. توانایی جذب سطحی و اصلاح زیستی اکسی‌آنیون سمی سلنیت توسط میکروارگانیسم‌ها منجر به توجه خاص پژوهشگران به مطالعه انواع باکتریها، کپک‌های رشته‌ای، مخمرها و جلبکها در جهت زیست‌پالایی

تحمل غلظت ۱۲۵ میلی‌مولار سلنیت می‌باشند. این مطالعه نشان داد تشکیل بیوفیلم این سویه‌های مخمری جهت حفاظت از میکروارگانیسم در برابر این ماده سمی است. فرآیند سم‌زدایی باعث بقای مخمر در شرایط غلظت بالای سلنیوم می‌شود (۱۰). همچنین در گزارشی که توسط Ikram ارائه گردید چندین گونه از جنس *Bacillus* مقاوم به سلنیت (حداکثر مقاومت ۲۰ گرم در لیتر) جداسازی شد و توانایی حذف و احیای سلنیت در سویه‌های جدا شده مورد سنجش قرار گرفت و در این بین بالاترین میزان حذف و احیاء توسط سویه *Bacillus pumilus* به میزان ۹۷ درصد با غلظت اولیه ۵۰۰ میکروگرم بر میلی‌لیتر سلنیت سدیم در مدت ۱۴۴ ساعت گزارش شد (۱۲). در مطالعه ایی که توسط Kuroda و همکاران در سال ۲۰۱۱ بر روی سویه *Pseudomonas stutzeri* NT-I انجام گرفت مشخص شد که این سویه توانایی حذف و احیای سلنیت را دارا بوده و می‌تواند در مدت زمان ۱۸ ساعت ۹۵ درصد از سلنیت را از محیط حذف کند (۱۵). در مطالعه صورت گرفته توسط Rajashree و Muthukumar، حداکثر تحمل پذیری ۷۵ میلی‌گرم در لیتر نسبت به سلنیت در سویه مخمری *Saccharomyces cerevisiae* 17 مشاهده شد. سویه مخمری مذکور قابلیت حذف ۹۷/۵ درصدی همراه با احیای یون سمی سلنیت را در غلظت بهینه ۵۰ میلی‌گرم در لیتر دارا بود (۲۰). بر اساس نتایج به دست آمده در این مطالعه و نتایج پژوهش‌های سایر محققان و با توجه به این موضوع که روش زیست‌پالایی میکروبی، روشی مؤثر و کم‌هزینه در حذف آلاینده‌های سمی از محیط‌های طبیعی است و از آنجا که سویه مخمری تریکوسپورون جداسازی شده توانایی حذف سلنیت به صورت احیاء به سلنیوم عنصری را دارا می‌باشد، بنابراین پژوهش اخیر کاربرد دو منظوره از مخمر بومی مذکور را هم به عنوان یک کاتالیست بالقوه جهت حذف محیط‌های آلوده سلنیتی و هم برای تولید توده زیستی مخمری غنی شده با سلنیوم به

تریکوسپورون با شماره دسترسی **KT033396** در بانک ژنی ثبت شد. توانایی حذف سلنیت توسط مقاوم‌ترین سویه مخمری *Cas se5*، از طریق اندازه‌گیری میزان سلنیت باقی‌مانده در محیط واکنش زیست‌تبدیلی تحت شرایط سلول‌های در حال استراحت (سلول‌های فعال از لحاظ متابولیکی و بدون قابلیت رشد) و در حضور فاکتورهای مؤثر بر فرآیند حذف میکروبی محاسبه گردید. براساس نتایج به دست آمده، پس از ۷۲ ساعت گرماگذاری، مخمر بومی تریکوسپورون جداسازی شده توانست بیش از ۹۳ درصد از سلنیت موجود در محیط واکنش زیست‌تبدیلی را تحت شرایط بهینه شده از طریق بهینه‌سازی تک‌عاملی حذف کند و میزان سلنیت اولیه را از ۱۰ g/L (معادل ۷۸ میلی‌مولار) به حدود ۰/۷ g/L (معادل ۵/۵ میلی‌مولار) با نرخ حذف ۰/۲۶ g/L/h (معادل ۲ میلی‌مولار در ساعت) برساند. تاکنون فرآیند زیست‌پالایی میکروبی برای حذف آلاینده‌های فلزی و شبه‌فلزی در سویه‌های مخمری متعلق به جنس‌های *Candida*، *Yarrowia*، *Saccharomyces*، *Rhodotorula*، *Cryptococcus*، *Pichia* و *Schizosaccharomyces* گزارش شده است (۱۴). در مطالعاتی تحمل‌پذیری گونه‌های مخمری و قارچی آسکومیست و بازیدیومیست بررسی شد. یافته‌ها نشان داد به طور کلی گونه‌های آسکومیست مقاومت بالاتری به سلنیوم و ترکیبات آن دارند. در این بین، رشد مخمرهایی از جمله *Schizosaccharomyces pombe*، *Dekkera anomala*، *Cryptococcus chernovii*، *Candida silvae* و *Pichia norvegensis* و *Rhodotorula yakutica* در غلظت‌های کمتر از ۱ میلی‌مولار سدیم سلنات است. این در حالی است که گونه‌هایی مثل *Candida Yarrowia*، *Cryptococcus curvatus maltosa* و *lipolytica* قادر به رشد در غلظت ۱۰ میلی‌مولار از سلنات بودند (۹). مطالعاتی در ارتباط با الگوی تحمل‌پذیری بیوفیل‌های تشکیل شده توسط سویه‌های مخمری متعلق به جنس *Candida* نشان داد که این بیوفیل‌ها قادر به

این پژوهش مستخرج از رساله کارشناسی ارشد خانم راضیه ارجمند تحت راهنمایی دکتر مراسم آشنگرف و با حمایت مالی و معنوی دانشگاه کردستان اجرا شده است که بدین وسیله، مولفین این مقاله مراتب تشکر و قدردانی خود را اعلام می‌دارد.

عنوان یک محصول خوراکی با ارزش افزوده بالا را پیشنهاد می‌کند.

تشکر و قدردانی

منابع

- Aravindhan R, Madhan B, Rao JR, Nair BU, Ramasami T. (2004) Bioaccumulation of chromium from tannery wastewater: an approach for chrome recovery and reuse. *Environ Sci Technol* 38: 300-306.
- Biswas KC, Barton LL, Tsui WL, Shuman K, Gillespie J, Eze CS. (2011) A novel method for the measurement of elemental selenium produced by bacterial reduction of selenite. *J Microbiol Methods* 86: 140-144.
- Chasteen TG, Bentley R. (2003) Biomethylation of selenium and tellurium: microorganisms and plants. *Chem Rev* 103: 1-25.
- Cheung KH, GU J. (2007) Mechanism of hexavalent Chromium detoxification by microorganisms and bioremediation application potential: A review. *Int Biodeterior Biodegradation* 59: 8-15.
- Chojnacka K. (2007) Bioaccumulation of Cr (III) ions by Blue Green alga *Spirulina sp.* Part I. A comparison with biosorption. *Am J Agric Biol Sci* 2: 21 8-223.
- Dash HR, Mangwani N, Chakraborty J, Kumari S, Das S. (2013) Marine bacteria: potential candidates for enhanced bioremediation. *Appl Microbiol Biotechnol* 97: 561-571.
- Dungan RS, Frankenberger WT. (1999) Microbial transformations of selenium and the bioremediation of seleniferous environments. *Bioremediat J* 3:171-188.
- Geoffroy N, Demopoulos GP. (2011) The elimination of selenium (IV) from aqueous solution by precipitation with sodium sulfide. *J Hazard Mater* 185:148-154.
- Golubev VI, Golubev NV. (2002) Selenium tolerance of yeasts. *Mikrobiologiya* 71: 455-459.
- Harrison JJ, Rabiei M, Turner RJ, Badry EA, Sproule KM, Ceri H. (2006) Metal resistance in *Candida* biofilms. *FEMS Microbiol Ecol* 55: 479-91.
- Hurlbut JA, Burkepille RG, Geisler CA, Kijak PJ, Rummel NG. (1996) Colorimetric determination of selenium in mineral premixes. *J AOAC Int* 80: 709-716.
- Ikram M, Faisal M. (2010) Comparative assessment of selenite (SeIV) detoxification to elemental selenium (Se⁰) by *Bacillus sp.* *Biotechnol Lett* 32: 1255-1259.
- Ilhan S, Nourbakh MN, Kilicarsl S, Ozdag H. (2004) Removal of chromium, lead and copper ions from industrial wastewaters by *Staphylococcus saprophyticus*. *Turk J Biol* 2: 50-57.
- Kieliszek M, Błażej S, Gientka I, Bzducha Wróbel A. (2015) Accumulation and metabolism of selenium by yeast cells. *Appl Microbiol Biotechnol* 99: 5373-5382.
- Kuroda M, Notaguchi E, Sato A, Yoshioka M, Hasegawa A, Kagami T. (2011) Characterization of *Pseudomonas stutzeri* NT-I capable of removing soluble selenium from the aqueous phase under aerobic conditions. *J Biosci Bioeng* 112: 259-264.
- Kurtzman, C.P and Fell, J.W. (2000) The yeasts: a taxonomic study (4th revised and enlarged edition). Elsevier, Amsterdam, pp 1-525.
- Lemly AD. (2004) Aquatic selenium pollution is a global environmental safety issue. *Ecotoxicol Environ Saf* 59: 44-56.
- Masuda K, Guo XF, Uryu N, Hagiwara T, Watabe S. (2008) Isolation of marine yeasts collected from the Pacific Ocean showing a high production of gamma-aminobutyric acid. *Biosci Biotechnol Biochem* 72: 3265-3272.
- Pedrero Z, Madrid Y. (2009) Novel approaches for selenium speciation in foodstuffs and biological specimens: a review. *Analytica Chimica Acta* 634: 135-152.
- Rajashree K, Muthukumar T. (2013) Preparation of selenium tolerant yeast *Saccharomyces cerevisiae*. *J Microbiol Biotechnol Res* 3: 46-53.

21. Rauschenbach I, Narasingarao P, Häggblom MM. (2011) *Desulfurispirillum indicum* sp. nov., a selenate and selenite-respiring bacterium isolated from an estuarine canal. *Int J Syst Evol Microbiol* 61: 654-658.
22. Siddique T, Zhang Y, Okeke BC, Frankenberger WT. (2006) Characterization of sediment bacteria involved in selenium reduction. *Bioresour Technol* 97:1041-1049.
23. Tamura K, Stecher G, Peterson D, Filipinski A, Kumar S. (2013) MEGA6: Molecular Evolutionary Genetics Analysis Version 6.0. *Mol Biol Evol* 30: 2725-2729.
24. White TJ, Bruns T, Lee S, Taylor JT. (1990) Amplification and direct sequencing of fungal ribosomal RNA genes for phylogenetics. In: Innis, M.A. Gelfand, D.H. Sninsky, J.J. White TJ (eds) *PCR protocols: a guide to methods and applications*. New York; Academic Press.
25. Wikler MA, Cockerill FR, Craig WA, Dudley MN, Hecht DW. (2006) Method for dilution antimicrobial test for bacteria that grow aerobically; approved standard. *Clinical Laboratory Standards Institute* 26: 9-16.

Isolation and characterization of a selenite resistant marine yeast strain and its application in selenite bioremediation

Ashengroph M. and Razieh Arjmand R.

Biological Science Dept., Faculty of Sciences, University of Kurdistan, Sanandaj, I.R. of Iran

Abstract

Application of microorganisms as natural and cost-effective catalysts to reduce and remove selenite from environment is remarkably on the rise. In the current study, potential of selenite resistant marine yeasts for the bioremediation of selenite-polluted sites was investigated. Samples were collected from regions in the Persian Gulf and the Caspian Sea. Isolation of the yeast strains was performed via enrichment cultures in media containing selenite. ELISA microplate was used to determine resistance patterns of the yeast strains to selenite. A colorimetric method has been developed for the evaluation of selenite removal. Molecular Characterization was performed based on amplification the ITS1-5.8S-ITS2 rDNA regions. The effect of different parameters such as initial concentrations of selenite, biomass, NaCl and initial pH, temperature, agitation as well as time of incubation on selenite removal efficiency was studied. According to the results obtained in the study, the highest selenite resistance (22 g/L) was found in the yeast strain Cas se5 isolated from Caspian Sea. The strain was identified to the genus *Trichosporon*. Based on the results of selenite removal experiments, the yeast strain Cas se5 is capable remove 93% of selenite at initial concentration of 10 g/l with a removal rate of 0.26 g/L/h under initial concentrations of 10 g/L of selenite, 35 g/L of biomass and 2.5% (w/v) NaCl and initial pH 7.4, temperature of 30° C and agitation rate of 100 rpm After a 72-hour incubation. This paper is the first report on isolation of *Trichosporon* genus with potential of selenite removal from Caspian Sea. The isolated yeast is expected to play an important role as catalyst for the remediation of selenite-contaminated waters and wastewaters.

Key words: Resistance pattern, Bioremediation, Selenite, *Trichosporon* sp. Cas se5